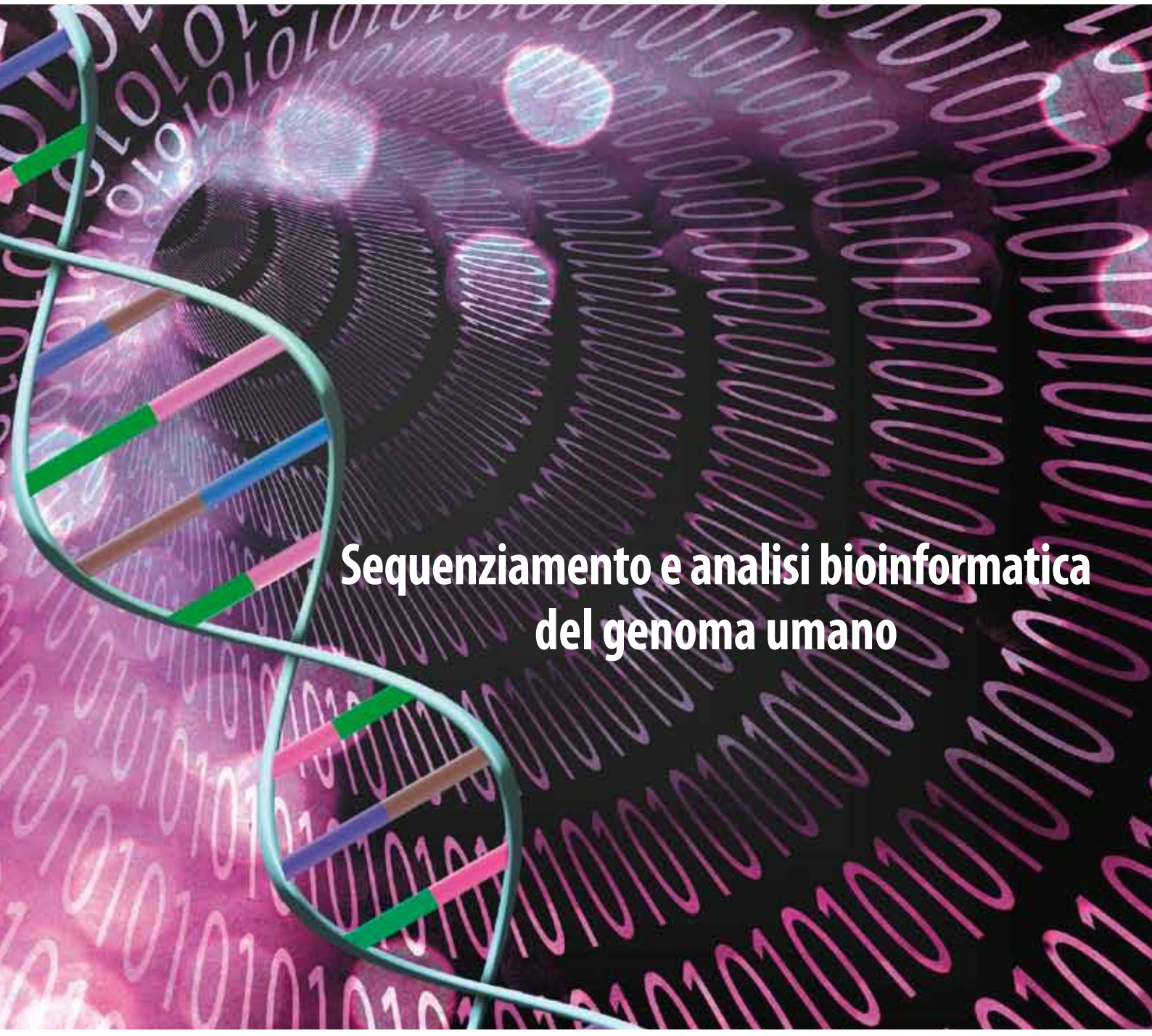


11.05.2011

Seminario 11:00 -12:30
SALA AUDITORIUM
 via Roma, 253 - Cagliari



Sequenziamento e analisi bioinformatica del genoma umano

Relatore Frederic Reinier

CRS4

Contatti:

carole.salis@crs4.it

Info e registrazione:

www.crs4.it

Dal 2005 sono state introdotte nuove e numerose tecniche di sequenziamento, individuate come "next-generation sequencing".

Durante il seminario, dopo una rapida carrellata sull'insieme di queste tecniche, si arriverà al dettaglio sui sistemi *Illumina Genome Analyzer* e *HiSeq2000*, entrambi presenti al CRS4. Queste macchine "ad alta processività" permettono di effettuare un grande numero di analisi parallele su uno o più campioni di DNA e sono in grado di produrre un numero elevato di sequenze genomiche in pochissimo tempo a costi ridotti rispetto alle macchine di generazione precedente.

Saranno inoltre presentati in dettaglio, i protocolli di analisi bioinformatiche sviluppate al CRS4 in collaborazione con i colleghi informatici e biologi. Si metterà l'accento sui metodi di allineamento di sequenze, sul "management" di un formato generico di dati e anche sulla parte relativa al controllo di qualità, indispensabile per garantire l'accuratezza del dato elaborato.



Seguici su:

www.facebook.com/crs4fb
www.twitter.com/crs4research
